

Appel à projets MESSIDORE¹ 2025

Liste des projets lauréats

Porteur	Titre du projet	Acronyme	Laboratoire du responsable
Ariane BERDAL	Handicap oral du syndrome Email-Rein : du changement de paradigme physiopathologique à l'interception du processus malformatif	UnlockERS	<i>Equipe « Bases physiopathologiques des dysplasies squelettiques » - Institut des maladies génériques IMAGINE ; Paris</i>
Pierre BUFFET	Le ravidasvir, un antiviral repositionné comme antipaludique pour contrôler la résistance parasitaire et bloquer la transmission au moustique : une étude de preuve de concept en France	RAMP-IT	<i>Unité de recherche clinique, Hôpital Necker-Enfants Malades et AGEPS - AP-HP ; Paris</i>
Pascal DEMOLY	Amélioration d'un algorithme d'IA pour la prédiction du diagnostic et de la gravité des allergies sur la base des données cliniques et d'un profil complexe d'IgE spécifiques	PRODIGE	<i>UA 11 UMR Université de Montpellier-Inserm - Institut Desbrest d'Epidémiologie et de Santé Publique ; Montpellier</i>
Youenn DROUET	Emulation d'essais cibles à partir de données hospitalières	TRANSLATE	<i>Unité de Prévention et Epidémiologie Génétique - Centre Léon Bérard ; Lyon</i>
Leslie GRAMMATICO-GUILLON	Surveillance des dispositifs implantables en vie réelle et sécurité des patients	MORDICUS	<i>Laboratoire MAVIVHe (Morphogenèse et Antigénicité du VIH et des virus des hépatites) - Inserm U1259 ; CHU de Tours</i>

¹ MESSIDORE : Méthodologie des ESSais cliniques Innovants, Dispositifs, Outils et Recherches Exploitant les données de santé et biobanques

Christine LASSET	Etude des facteurs génétiques modificateurs du risque de cancer dans le syndrome de Lynch à partir du registre national OFELY	MARILYN	<i>CNRS UMR 5558 - Laboratoire Biologie Biométrie Evolutive ; Université Claude Bernard Lyon 1</i>
François LECOQUIERRE	Analyse exhaustive du génome et du méthylome par séquençage long-read HiFi pour mieux diagnostiquer les maladies rares du développement	LR2D	<i>Laboratoire de génétique moléculaire - CHU de Rouen</i>
Camille LE RAY	Etude de l'utilisation sub-optimale des mesures de Prévention et Promotion de la santé durant la Grossesse à partir de la base appariée ENP2021-SNDS	PPG-2021	<i>Inserm 1153, équipe OPPaLE (Obstetric, Perinatal, Paediatric Life Course Epidemiology) – Université Paris Cité</i>
Anne-Louise LEUTENEGGER	Exploiter les données génomiques du CAD pour améliorer le diagnostic des patients atteints de microcéphalie	MICROC	<i>Equipe « Biostatistique en grande dimension pour la sécurité des médicaments et la génomique » - UMR1018 CESP - Hôpital Paul Brousse ; Villejuif</i>
Wassilios MEISSNER	Combinaison de marqueurs cliniques et biologiques pour optimiser la stratification et la prédiction personnalisée de la progression de l'atrophie multisystématisée	MSAPROG	<i>Centre de référence Maladies rares, Atrophie multisystématisée - Institut de médecine intégrative et complémentaire ; CHU de Bordeaux</i>
Naïm OULDALI	Prévention des infections pneumococciques de l'enfant par le nirsevimab	PREVENIR	<i>Equipe EPIC, Unité de recherche IAME (Infection Antimicrobials Modelling Evolution) - Inserm UMR 1137 ; Université Paris Cité</i>
Guillaume PIESSEN	Optimisation des stratégies thérapeutiques pour les adénocarcinomes œso-gastriques oligométastatiques : de la recherche translationnelle vers une médecine personnalisée	OLIGOPTIM	<i>Département de chirurgie digestive et oncologique - CHU de Lille</i>

Antoine ROQUILLY	Développement de l'infrastructure d'un essai clinique plateforme, perpétuel pour l'évaluation rapide des meilleures options thérapeutiques des pneumonies nosocomiales sévères	SHAPE-ID	<i>Unité d'investigation clinique 9 - Inserm CIC 1413 ; CHU de Nantes</i>
Laure ROUCH	Développement à l'aide de méthodes de machine learning d'horloges biologiques multi-omiques de capacité intrinsèque et de vieillissement des organes	INSPIRE-OMICS	<i>IHU HealthAge - CERPOP UMR 1295, Centre d'Epidémiologie et de Recherche en Santé des Populations ; Toulouse</i>